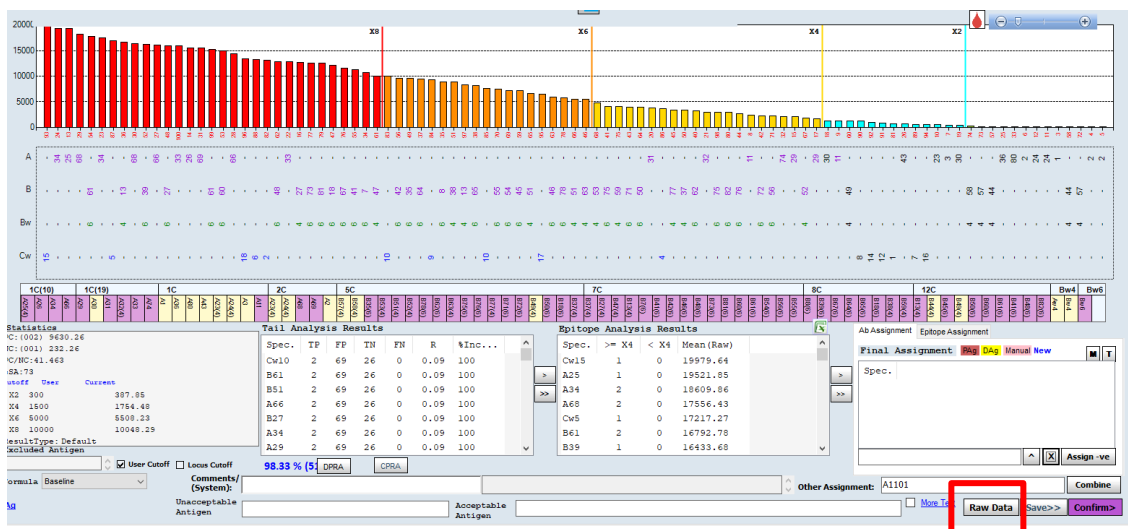


## ANEXO I

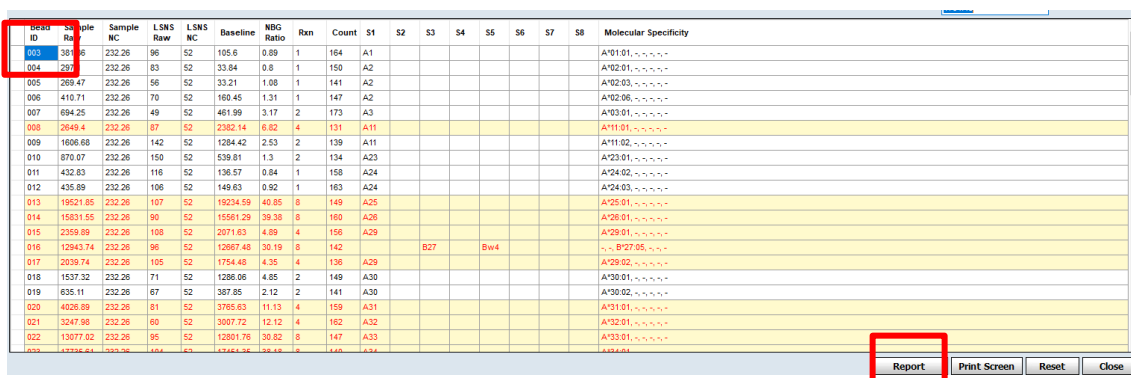
### COMO GERAR ARQUIVO EXCEL COM DADOS DE MFI DOS RESULTADOS DO PAINEL DE ANTÍGENOS ISOLADOS

#### 1 - Tutorial para programa HLA Fusion, One Lambda

Dentro da tela de resultado do painel de antígenos isolados (Single Antigen) do programa HLA Fusion, clicar em “Raw Data” como indicado na figura 1.



Na tela que abrir, ordenar os dados clicando em “Bead ID” na parte superior da tela. Após isso, clicar em “Report” na parte inferior da tela (figura 2).



The screenshot shows the HLA Fusion software interface displaying a table of raw data. The table has columns for Bead ID, Sample NC, LSNS NC, Baseline, NRG Ratio, Rm, Count, S1, S2, S3, S4, S5, S6, S7, S8, and Molecular Specificity. A red box highlights the 'Report' button at the bottom right of the interface.

Bead ID	Sample NC	LSNS NC	LSNS NC	Baseline	NRG Ratio	Rm	Count	S1	S2	S3	S4	S5	S6	S7	S8	Molecular Specificity
003	381.6	232.26	96	52	105.6	0.89	1	164	A1							A*01.01, ...
004	297	232.26	83	52	33.84	0.8	1	150	A2							A*02.01, ...
005	269.47	232.26	56	52	33.21	1.08	1	141	A2							A*02.03, ...
006	410.71	232.26	70	52	160.45	1.31	1	147	A2							A*02.06, ...
007	694.25	232.26	49	52	481.99	3.17	2	173	A3							A*03.01, ...
008	2649.4	232.26	87	52	2382.14	6.82	4	131	A11							A*11.01, ...
009	1606.68	232.26	142	52	1284.42	2.53	2	139	A11							A*11.02, ...
010	870.07	232.26	150	52	539.81	1.3	2	134	A23							A*23.01, ...
011	432.83	232.26	116	52	136.57	0.84	1	158	A24							A*24.02, ...
012	435.89	232.26	106	52	149.63	0.92	1	163	A24							A*24.03, ...
013	19521.85	232.26	107	52	19234.59	40.85	8	149	A25							A*25.01, ...
014	15831.55	232.26	90	52	15561.29	39.38	8	160	A26							A*26.01, ...
015	2359.89	232.26	108	52	2071.63	4.89	4	156	A29							A*29.01, ...
016	12943.74	232.26	96	52	12687.48	30.19	8	142		B27	Bw4					A*29.02, ...
017	2039.74	232.26	105	52	1754.48	4.35	4	136	A29							A*29.05, ...
018	1537.32	232.26	71	52	1286.66	4.85	2	149	A30							A*30.01, ...
019	635.11	232.26	67	52	387.85	2.12	2	141	A30							A*30.02, ...
020	4026.89	232.26	81	52	3765.63	11.13	4	159	A31							A*31.01, ...
021	3247.98	232.26	80	52	3067.72	12.12	4	182	A32							A*32.01, ...
022	13077.02	232.26	95	52	12961.76	30.82	8	147	A33							A*33.01, ...
023	13234.81	232.26	104	52	12464.36	38.18	8	146	A34							A*34.01, ...

Fig 2: Tela com os “Raw Data” do single antigen no programa HLA Fusion.

Após clicar em reporte, uma nova tela será aberta. Clique no ícone destacado em vermelho na figura 3.

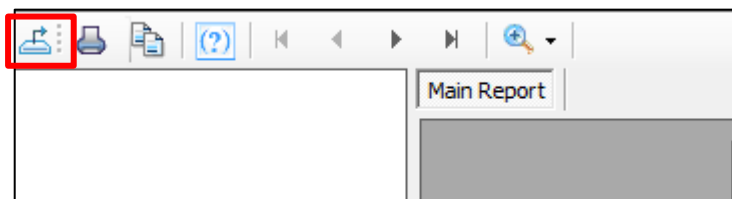


Fig 3: representação do ícone que deverá ser selecionado para poder salvar os dados.

Uma nova janela irá abrir com as opções para salvar o arquivo. O arquivo deverá ser nomeado como explicado no item 3 desse anexo. Escolher a opção: Microsoft Excel (97-2003)(\*.xls) e clicar em salvar (figura 4)

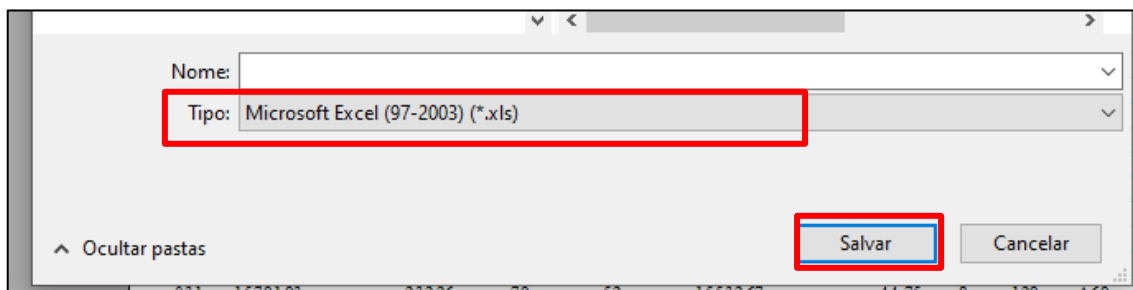


Fig 4: Tipo de arquivo que deve ser gerado. Após nomear o arquivo, clicar em salvar.

O arquivo está pronto para ser enviado através do site no campo “Upload de MFI”.

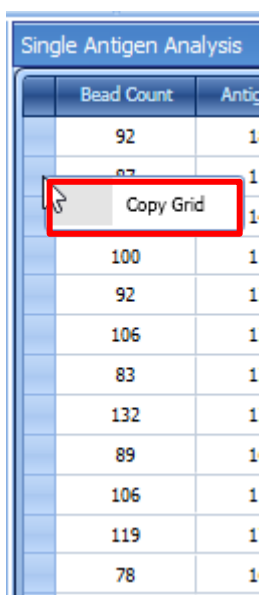
## 2 - Tutorial para programa MATCH IT, IMMUCOR.

Dentro da tela de resultados de Single Antigen do programa Match IT, clicar com o botão direito em qualquer parte da área delimitada em vermelho, como demonstrado na figura abaixo (figura 5).

Single Antigen Analysis															
Bead Count	Antigen ID	Cut-off	Raw Value	MFI/LRA	Assignment	BG Adjusted	AD-MFI	AD-BG Adjusted	A	B	C	Bw	A Serology	B Serology	
92	183	3.58	3723	23.19	Positive	3598	6374	6160			C*02:02				
87	118	4.09	601	7.56	Negative	492	604	494	A*29:02			Bw6	A29(19)	B18	
107	147	3.79	670	7.02	Negative	580	587	508		B*18:01		Bw6			
100	117	4.67	524	6.58	Negative	420	638	512	A*29:01			Bw6	A29(19)	B64(14)	
92	138	4.05	547	5.72	Negative	419	510	390		B*14:01		Bw6		B65(14)	
106	139	4.37	538	5.63	Negative	419	594	462		B*14:02		Bw6			
83	122	3.76	440	5.53	Negative	352	437	350	A*33:01			Bw6	A33(19)		
132	136	3.75	334	3.49	Negative	238	284	202		B*08:01		Bw6		B8	
89	163	4.75	329	3.45	Negative	170	413	214		B*46:01				B46	
106	116	4.18	265	3.33	Negative	156	274	161	A*26:01				A26(10)		
119	179	4.02	314	3.29	Negative	234	311	232		B*78:01		Bw6		B78	
78	168	4.06	310	3.25	Negative	203	356	233		B*51:01		Bw4		B51(5)	
88	131	4.52	251	3.16	Negative	106	343	145	A*69:01				A69(18)		
115	123	4.29	248	3.12	Negative	131	262	138	A*33:03				A33(19)		
95	124	3.96	240	3.02	Negative	149	233	145	A*34:02				A34(10)		
90	125	4.00	239	3.01	Negative	158	223	147	A*36:01				A36		
80	178	4.14	285	2.98	Negative	113	325	129		B*73:01				B73	
90	126	4.27	221	2.78	Negative	95	220	95	A*43:01				A43		
95	167	3.97	251	2.63	Negative	160	241	153		B*50:01		Bw6		B50(21)	
109	107	4.17	209	2.63	Negative	99	224	106	A*02:03				A203		
96	169	4.12	249	2.61	Negative	140	280	157		B*52:01		Bw4		B52(5)	
104	182	3.60	404	2.51	Negative	249	515	317			C*01:02				

Fig 5: clicar com o botão direito do mouse dentro da área delimitada em vermelho.

Após clicar em vermelho, selecionar a opção “copy Grid”, como na figura 6.



Bead Count	Antig
92	1
87	1
Copy Grid	1
100	1
92	1
106	1
83	1
132	1
89	1
106	1
119	1
78	1

Fig 6: clicar em copy Grid. Todo os dados serão copiados para a área de transferência do sistema operacional do seu computador.

Após copiar os dados, abrir um arquivo tipo excel e colocar os dados na célula 1A. O arquivo gerado dever ser salvo com o formato excel (nomeado de acordo com o item 3).

O arquivo está pronto para ser enviado através do site no campo “Upload de MFI”.

### 3 - Modelo de nome do arquivo criado.

Cada arquivo criado deverá ser nomeado com informações que remetem ao teste (single Antigen classe I ou II), nome da amostra, lote do kit utilizado e lote do SCN.

Exemplo:

SAI\_S71\_Lote13\_CN23

SAII\_S71\_Lote3009350\_CN30

O arquivo está pronto para ser enviado através do site no campo “Upload de MFI”.

Comissão do Controle de Qualidade